

データ解析ソフトウェア技術セミナーのお知らせ

演題：『OmicsBox機能説明会

- RNA-Seq解析データを例に時系列解析の手法を紹介 -』

演者：フィルジェン株式会社 バイオインフォマティクス部
山元 翔太 氏

日時：令和5年4月21日（金）16:30～18:00

開催方法：オンライン開催（Webex）

申込：下の事前申込フォームよりお申し込みください。

お申し込みいただいた方には、オンデマンド配信も実施します。

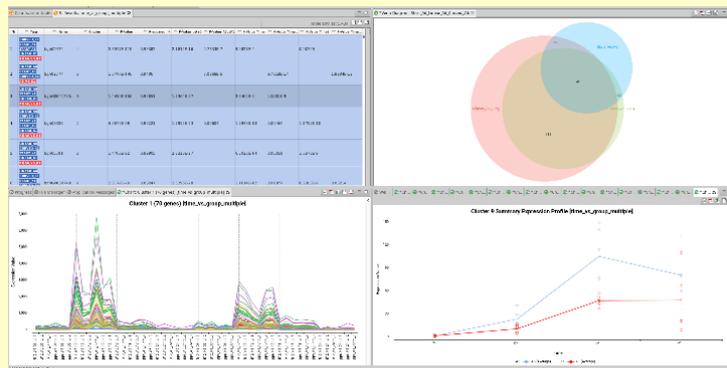
 事前申込フォームQRコード

 （締切：令和5年4月21日（金）16:00）

 <https://forms.office.com/r/Cf9f82sxPQ>

開催日が近づいてきましたら、入力いただいたメールアドレスに説明会のリンクをお送りいたします。

タイムコースでの発現変動の比較は単純なサンプル間の比較に加え経時的な視点が必要となります。通常の発現変動遺伝子の比較と比べ困難であったりタイムコースに対応した統計処理が可能なソフトウェアが少ない課題などがあります。本セミナーではOmicsBoxの経時的発現解析を実行するように設計されているツールについてご説明いたします。非モデル生物にも対応しておりバイオインフォマティクス技術や高度なPCスペックを必要としないソフトウェアですので初めての方も是非ご参加ください。



過去の技術セミナーもMoodleからオンデマンド視聴が可能です。

閲覧希望の方は下記URLより視聴申し込みをお願いいたします。

2022年4月12日開催「OmicsBoxを用いた16S rRNA菌叢解析機能の紹介」

<https://forms.office.com/r/J08JQ6PF0y>



<お問合せ先>

医科学研究支援部門 内線: 5179

MAIL: [ikagaku-support\[@\]m.ehime-u.ac.jp](mailto:ikagaku-support[@]m.ehime-u.ac.jp) (※[@]を半角のアットマークへ置き換え)