

データ解析ソフトウェア技術説明会のお知らせ

演題：『StrandNGS機能説明会

- Small RNA-Seqデータを例に解析手法を紹介 -』

演者：トミーデジタルバイオロジー株式会社 越後輝敦 氏

日時：2023年4月24日（月）16：30～18：00

開催方法：オンライン開催（Webex）

申込：下の事前申込フォームよりお申し込みください。



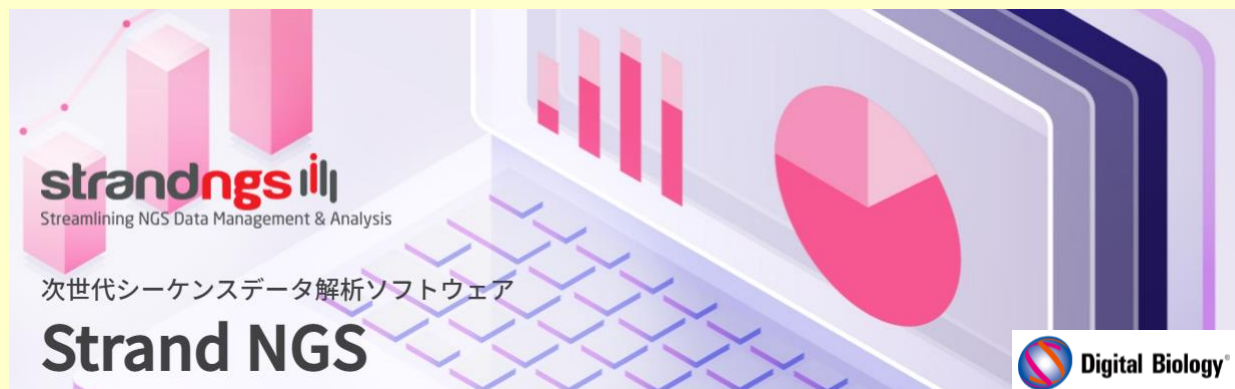
事前申込フォームQRコード

（締切：2023年4月24日（月）16：00）

<https://forms.office.com/r/Q40kNm3Ugg>

開催日が近づいてきましたら、入力いただいたメールアドレスに説明会のリンクをお送りいたします。

StrandNGSは次世代シーケンサーから出力されたリードデータの数値解析から生物学的解釈までを行うことが可能なアプリケーションソフトウェアです。モデル生物種のリファレンス、アノテーションがパッケージで提供されており、難解なコマンドライン操作不要のワークフローで、RNA-Seq、DNA-Seq、ChIP-Seq、Small RNA-Seq、Methyl-Seqなどの様々なアプリケーションに対応が可能です。セミナーではこれらの基本的な機能と、Small RNAの発現量を数値化し、発現差の解析やターゲットmRNAを予測するまでのワークフローについてご紹介する予定です。



過去の技術セミナーもMoodleからオンデマンド視聴が可能です。

閲覧希望の方は下記URLより視聴申し込みをお願いいたします。

2022年4月11日開催「StrandNGSを用いたRNA-Seq解析手法の紹介」

<https://forms.office.com/r/LmyUyiiZYa>



<お問合せ先>

医科学研究支援部門 内線：5179

MAIL: [ikagaku-support@\[m.ehime-u.ac.jp](mailto:ikagaku-support@[m.ehime-u.ac.jp)（※@[]を半角のアットマークへ置き換え）