

データ解析 技術説明会のお知らせ

演題：『初心者向けバイオインフォマティクス解析セミナー
- RNA-Seq解析などの次世代シーケンス解析入門 -』

演者：愛媛大学医農融合公衆衛生学環
湯川 将之

日時：令和7年5月21日（水）17:00～17:30

開催方法：オンライン開催（Microsoft Teams）

申込：下の事前申込フォームよりお申し込みください。



事前申込フォームQRコード

（締切：令和7年5月21日（水）17:00）

<https://forms.office.com/r/ViAC5ChYFu>

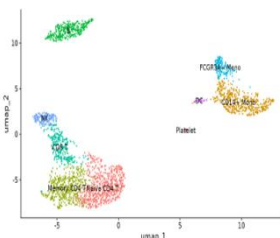
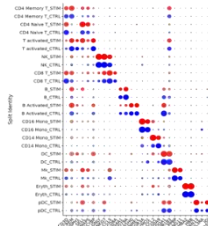
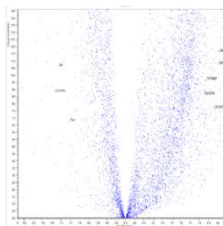
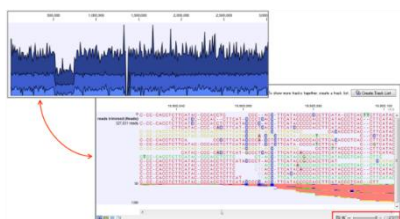
開催日が近づいてきましたら、入力いただいたメールアドレスに説明会のリンクをお送りいたします。

内容

次世代シーケンス（NGS）やバイオインフォマティクス解析という言葉聞いたことはあっても、実際にどのような解析ができるのか、どのようなデータが得られるのか、よく分からないと感じている研究者の方はまだまだ多いと思います。本セミナーでは、医学系の研究で特に注目されているRNA-Seq解析の基本的な手順を、初心者の方にもわかりやすくご紹介します。具体的なデータ例も用いながら、難しそうなイメージを払拭し、次への第一歩を踏み出せる内容になっています。

こんな方にお勧め！

- ・バイオインフォマティクス解析、次世代シーケンス解析について、少し聞いたことがあるがよく分からない。
- ・RNA-Seq解析などを実施してみたいが、どんなデータが出てくるのか良く知らない。
- ・興味はあるけれど、難しそうで踏み出せない。



<お問合せ先>

医科学研究支援部門 ikagaku-support@ehime-u.ac.jp