

データ解析ソフトウェア技術説明会のお知らせ

演題：『Ingenuity Pathway Analysis(IPA)機能説明会
- RNA-Seq・シングルセル解析データを例にAnalysis Match
機能の活用例を紹介 -』

演者：株式会社キアゲン 仁村幹彦 氏

日時：2023年4月25日（火）16:30～18:00

開催方法：オンライン開催（Webex）

申込：下の事前申込フォームよりお申し込みください。

お申し込みいただいた方には、オンデマンド配信も実施します。



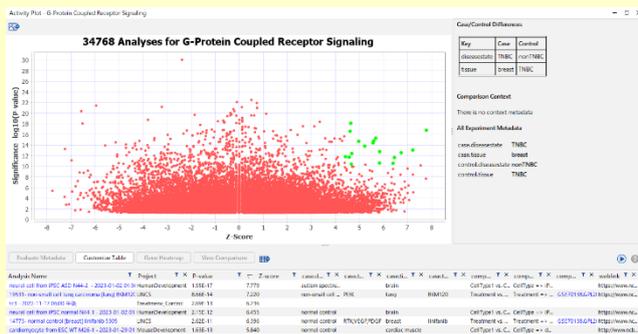
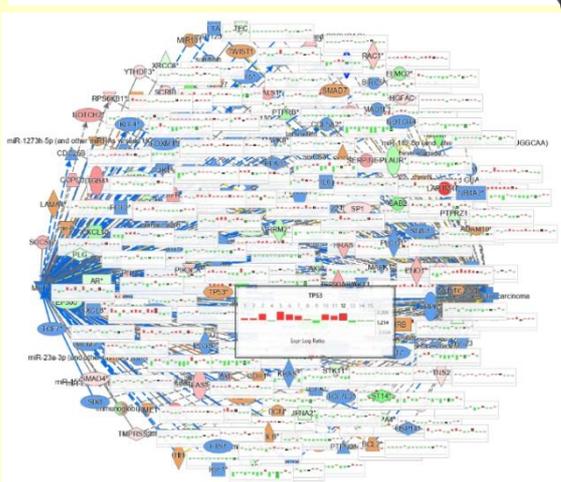
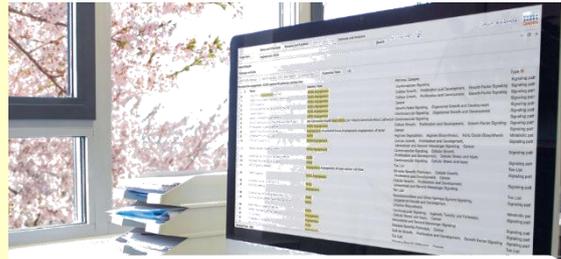
事前申込フォームQRコード

（締切：令和5年4月25日（火）16:00）

<https://forms.office.com/r/0GSM3HuQi9>

開催日が近づいてきましたら、入力いただいたメールアドレスに説明会のリンクをお送りいたします。

QIAGEN Ingenuity Pathway Analysis(IPA) は遺伝子発現等オミックスデータの差解析のデータから、生物学的知見を導き出すためのツールです。またデータがない場合も、IPAに備わっている13万以上の解析済みのデータ、知識データベースを用いて膨大なオミックスデータの解析が可能です。本セミナーでは全くの初心者を対象にしていますが、使用経験のある方にも有用な情報は多いと思われます。



過去の技術セミナーもMoodleからオンデマンド視聴が可能です。
閲覧希望の方は下記URLより視聴申し込みをお願いいたします。
2022年4月15日開催「IPAを用いたRNA-Seqデータの詳細解析」
<https://forms.office.com/r/CXDyPLYWez>



<お問合せ先>

医科学研究支援部門 内線: 5179

MAIL: [ikagaku-support\[@\]m.ehime-u.ac.jp](mailto:ikagaku-support[@]m.ehime-u.ac.jp) (※[@]を半角のアットマークへ置き換え)