

# 機器を用いた受託業務の1例

## ・RNA-Seq受託解析の流れ



- ・利用者が用意するのは精製したTotal RNAのみ
- ・その後のライブラリー作成、シーケンス、データ解析(1次解析まで)は一括で受託解析可

※mRNAの網羅的な発現解析のみ対応

non coding RNA等は現在未対応

解析が可能な生物種には制限があります。

ヒト、マウス、ラット等のゲノム配列情報が明らかになっているモデル生物についてはシーケンス、データ解析共に可

その他の生物種についてはシーケンスのみは可能な場合有り。データ解析は未対応