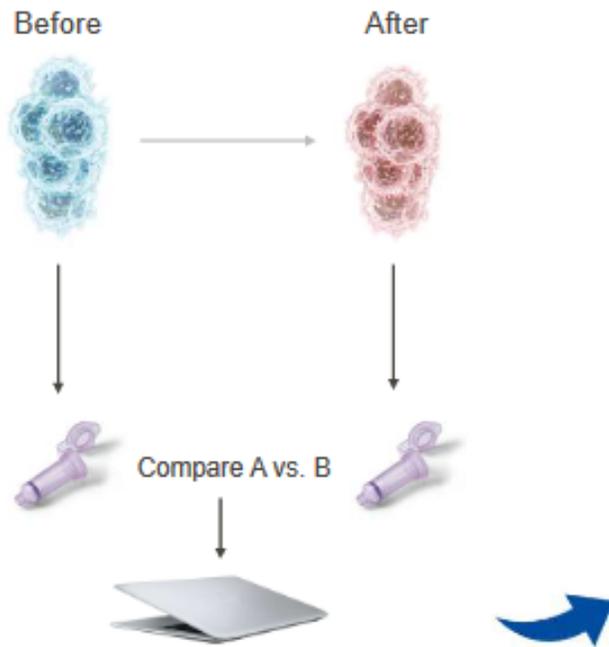


解析対象：2群の比較データ



解析可能なデータ

- > Transcriptome
- > Proteome
- > Metabolome

例) 遺伝子発現データ

- RNA-Seq でも マイクロアレイ でも可
- 1遺伝子=1行の形式
- 事前の絞り込み作業は不要

ID	比較データ	信頼度
ensGene	Fold Change	P Value
ENSMUSG000000000028	-1.269882	0.854943
ENSMUSG000000000031	23.196165	0.005085
ENSMUSG000000000056	2.624709	0.024229
ENSMUSG000000000078	1.130075	0.705453
ENSMUSG000000000093	9.536187	0.005209
ENSMUSG000000000120	-7.311433	0.002955
ENSMUSG000000000125	-3.504707	0.054415
ENSMUSG000000000134	-1.940893	0.580479